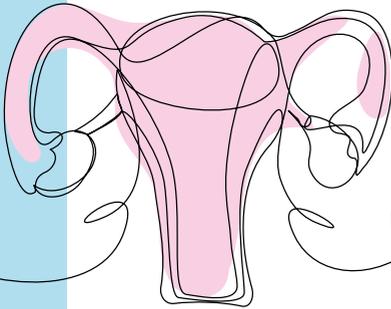


EVENTO ECM / BLENDED:  
FAD Sincrona + Residenziale

# “BioMarkers in Ovarian cancer” PLUS

FAD Sincrona:  
27 settembre 2023



Residenziale:  
14 dicembre 2023

Hotel Hyatt Centric Milan  
Centrale – Via Pirelli 20, Milano

Responsabili Scientifici

• *Matteo Fassan* • *Elena Guerini Rocco* • *Umberto Malapelle* • *Fabio Pagni*

# RAZIONALE SCIENTIFICO

La definizione delle alterazioni che causano difetti a carico del sistema di riparazione dei danni al DNA ricopre oggi un ruolo fondamentale come marcatore predittivo di risposta al trattamento con inibitori degli enzimi PARP, superando ed integrando quanto sino ad oggi è accaduto grazie alla caratterizzazione delle alterazioni in BRCA1 e 2. Data la complessità dell'analisi da condursi mediante sequenziamento genico di nuova generazione che si rende necessaria al fine di caratterizzare le alterazioni responsabili di HRD, un confronto multidisciplinare volto al disegno di un percorso capace di consentire ai laboratori di Patologia Molecolare Predittiva rappresenta l'unica strada efficace da percorrere.

Obiettivo di questo percorso è quello di condividere le esperienze di testing, attraverso esercitazioni pratiche, per sviluppare un'interfaccia di linguaggio analitico-clinica che dia la possibilità di sfruttare tutto il potenziale della caratterizzazione molecolare per le pazienti con tumore sieroso di alto grado dell'ovaio e per le pazienti con tumore dell'endometrio.

## Responsabili Scientifici

### **Matteo Fassan**

*Professore Ordinario Anatomia Patologica,  
Università degli Studi di Padova*

### **Elena Guerini Rocco**

*Divisione di Anatomia Patologica e MDL, IEO, Istituto Europeo di Oncologia IRCCS,  
e Dipartimento di Oncologia ed Emato-Oncologia, Università degli Studi di Milano*

### **Umberto Malapelle**

*Professore Associato, Dip.to di Sanità Pubblica, Università degli Studi di Napoli  
Federico II*

### **Fabio Pagni**

*SC Anatomia Patologica ASST Monza, Ospedale San Gerardo, Direttore della scuola di  
specializzazione Anatomia Patologica, Università Milano Bicocca*

## Faculty

### **Francesca Castiglione**

*SODc Istologia Patologica e Diagnostica Molecolare AOU-Careggi, Firenze*

### **Gennaro Daniele**

*Oncologo, Policlinico Gemelli Roma*

### **Dario De Biase**

*PHD, Dipartimento di Farmacia e Biotecnologie (FaBiT), Università di Bologna,  
Laboratorio Unico Metropolitano di Patologia Molecolare, c/o Istituto Oncologico  
Addarii, Policlinico S.Orsola Bologna*

## RAZIONALE SCIENTIFICO

La definizione delle alterazioni che causano difetti a carico del sistema di riparazione dei danni al DNA ricopre oggi un ruolo fondamentale come marcatore predittivo di risposta al trattamento con inibitori degli enzimi PARP, superando ed integrando quanto sino ad oggi è accaduto grazie alla caratterizzazione delle alterazioni in BRCA1 e 2. Data la complessità dell'analisi da condursi mediante sequenziamento genico di nuova generazione che si rende necessaria al fine di caratterizzare le alterazioni responsabili di HRD, un confronto multidisciplinare volto al disegno di un percorso capace di consentire ai laboratori di Patologia Molecolare Predittiva rappresenta l'unica strada efficace da percorrere.

Obiettivo di questo percorso è quello di condividere le esperienze di testing, attraverso esercitazioni pratiche, per sviluppare un'interfaccia di linguaggio analitico-clinica che dia la possibilità di sfruttare tutto il potenziale della caratterizzazione molecolare per le pazienti con tumore sieroso di alto grado dell'ovaio e per le pazienti con tumore dell'endometrio.

## Programma FAD Sincrona 27 settembre 2023

- 15.00 – 15.15 Introduzione ed obiettivi del gruppo  
*Matteo Fassan, Elena Guerini Rocco, Umberto Malapelle, Fabio Pagni*
- 15.15 – 15.45 La fase pre-analitica ai fini della caratterizzazione dell'HRD  
*Matteo Fassan*
- 15.45 – 16.00 La fase analitica per la caratterizzazione dell'HRD  
*Umberto Malapelle*
- 16.00 – 16.45 L'interpretazione dei risultati  
*Elena Guerini Rocco*
- 16.45 – 17.00 La refertazione del test HRD  
*Fabio Pagni*
- 17.00 – 17.45 Discussione plenaria  
**Moderà:** *Dario De Biase*
- 17.45 – 18.00 Conclusioni  
*Matteo Fassan, Elena Guerini Rocco, Umberto Malapelle, Fabio Pagni*

### Lavoro individuale 4,5h:

Il lavoro individuale consiste in esercitazioni pratiche volte a valutare la fase preanalitica, analitica e l'interpretazione dei risultati, per l'analisi di controlli artificiali che presentino le alterazioni tipiche di HRD. Come supporto al lavoro individuale i partecipanti riceveranno un kit ad uso formativo ed un video-protocollo che racconterà la modalità di caratterizzazione ottimale dell'HRD.

## Programma Residenziale 14 dicembre 2023

- 10.00 – 10.10 Introduzione alla giornata  
*Matteo Fassan, Elena Guerini Rocco, Umberto Malapelle, Fabio Pagni*
- 10.10 – 10.50 Presentazione dei risultati in merito alla fase pre-analitica per la caratterizzazione dell'HRD e discussione plenaria  
*Matteo Fassan*
- 10.50 – 11.30 Presentazione dei risultati in merito alla fase analitica per la caratterizzazione dell'HRD e discussione plenaria  
*Umberto Malapelle*
- 11.30 – 12.10 Presentazione dei risultati in merito all'interpretazione dei dati per la caratterizzazione dell'HRD e discussione plenaria  
*Elena Guerini Rocco*
- 12.10 – 12.30 Coffee break
- 12.30 – 13.10 Presentazione dei risultati in merito alla refertazione dei dati per la caratterizzazione dell'HRD e discussione plenaria  
*Fabio Pagni*
- 13.10 – 14.00 Lunch
- 14.00 – 16.00 Esperienze di caratterizzazione dell'HRD dei singoli docenti: swot analisi  
**Moderà:** *Dario De Biase, Francesca Castiglione*
- 16.00 – 16.20 Coffee break
- 16.20 – 17.00 Esperienze di caratterizzazione dell'HRD dei singoli docenti: swot analisi  
**Moderà:** *Dario De Biase, Francesca Castiglione*
- 17.00 – 17.20 L'importanza della caratterizzazione isto-molecolare nell'algoritmo terapeutico dei tumori ginecologici  
*Gennaro Daniele*
- 17.20 – 17.40 Sum up e conclusioni  
*Matteo Fassan, Elena Guerini Rocco, Umberto Malapelle, Fabio Pagni*

# ECM – Evento Blended ID: 2157 – 392376

L'evento Blended è inserito nella lista degli eventi definitivi ECM nel programma formativo 2023 del Provider.

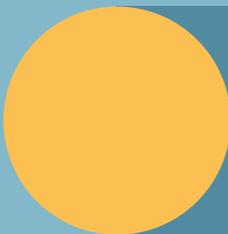
Al superamento del corso “**BioMarkers in OVarian cancER**” PLUS saranno attribuiti n. **18,3 Crediti formativi ECM** per le seguenti figure professionali: **Medico Chirurgo (Discipline: Anatomia patologica, Oncologia, Ginecologia e Ostetricia), Biologo, Tecnico Sanitario di Laboratorio Biomedico.**

Numero Partecipanti: **10**

## Come registrarsi

- Accedere al sito [www.medicacem.it](http://www.medicacem.it)
  - In caso di primo accesso cliccare su AREA RISERVATA nella barra in alto della homepage del sito e, successivamente, sulla voce Registrati completando il form con i propri dati.
  - Riceverai una mail di conferma automatica all'indirizzo specificato.
  - Effettua ora login/accesso alla piattaforma con i tuoi dati personali e iscriviti al corso “**BioMarkers in OVarian cancER**” PLUS
  - Per completare l'iscrizione premere “Invia”.
- Una volta terminato il percorso formativo, il discente dovrà compilare i questionari di valutazione e di qualità, necessari per l'ottenimento dei crediti. I crediti verranno erogati a fronte di una effettiva presenza ad almeno il 90% della durata complessiva dell'intera attività formativa e con il superamento della prova di apprendimento con almeno il 75% delle risposte corrette. Si consiglia di preiscriversi qualche giorno prima.
- Per assistenza tecnica, cliccare il box Assistenza nella homepage del sito
- [www.medicacem.it](http://www.medicacem.it) e completare il form.

Progetto realizzato con il supporto non condizionante di:



**Medica**  
EDITORIA E DIFFUSIONE SCIENTIFICA

Provider ECM ID 2157  
REGISTRAZIONE SCIENTIFICA E ORGANIZZATIVA  
Medica - Editoria e Diffusione Scientifica Srl Con Unico Socio  
Cassa di Risparmio di Padova e Rovigo  
P.IVA/C.F. 12389910292  
E +39 02 69603372 | M #930medicacem11  
F +39 02 69603896 | W www.medicacem.it